antagene

Bilan Génétique

Santé & Reproduction

Animal : **Ucciana du val de la Petite Creuse**

N° d'identification :	**250 269 610 753 497**	Propriétaire :	**Isabelle PERSSON**
Race :	**Berger Allemand**	N° de prélèvement :	**E01064497** (prélevé le 11/09/2026)
Sexe :	**Femelle**	Code résultat :	**A00154911**
Date de naissance :	**03/05/2023**	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	**Clarisse ZOUNIA OUNASSY** (Vétérinaire - N° d'ordre : 18895)
			Prélèvement **authentifié**
Résultat établi le :	24/09/2026	Document établi le :	24/09/2026

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Nanisme Hypophysaire					
	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
	LHX3 c.545_547dupACA	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1 (ABCB1)	MDR1 (ABCB1) c.227_230delATAG	Autosomique codominant	**Homozygote normal**	✓	✓
Achromatopsie	CNGA3 c.1270C>T	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Bêta-Mannosidose	MANBA c.560T>A	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Cystadénocarcinome Rénal et Dermatofibrose Nodulaire	FLCN c.764A>G	Autosomique dominant	**Homozygote normal**	✓	✓
Déficit d'Adhérence Leucocytaire (LAD3)	FERMT3 c.1349_1350insAAGACGGCTGCC	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Hémophilie A					
	F8 c.98G>A	Récessif lié à l'X	**Homozygote normal**	✓	✓
	F8 c.1643G>A	Récessif lié à l'X	**Homozygote normal**	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Mucopolysaccharidose de type VII	GUSB c.599G>A	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓
Syndrome de Scott	TMEM16F g.8912219G>A	Autosomique récessif	**Homozygote normal**	✓	✓

EXPLICATIONS
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

	EXPRESSION	TRANSMISSION
✓	L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
!	L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Laboratoire ANTAGENE - Le spécialiste des analyses génétiques chez les animaux
6 allée du Levant • CS 60001 • 69890 La Tour de Salvagny • FRANCE
+33 (0)4 37 49 90 03 • contact@antagene.com • www.antagene.com

antagene

Bilan Génétique

Santé & Reproduction

Animal : **Ucciana du val de la Petite Creuse**

N° d'identification :	**250 269 610 753 497**	Propriétaire :	**Isabelle PERSSON**
Race :	**Berger Allemand**	N° de prélèvement :	**E01064497** (prélevé le 11/09/2026)
Sexe :	**Femelle**	Code résultat :	**A00154911**
Date de naissance :	**03/05/2023**	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	**Clarisse ZOUNIA OUNASSY** (Vétérinaire - N° d'ordre : 18895)
			Prélèvement **authentifié**
Résultat établi le :	24/09/2026	Document établi le :	24/09/2026

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisement l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			**Noir et feu (a^t/a^t)**
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	**a^w/a^w**
a^t	ASIP SINE insertion	Autosomique récessif	**a^t/a^t**
A^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	**a^w/a^w**
Locus B - Marron			**Non Porteur Marron (B/B)**
b^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	**B/B**
b^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	**B/B**
b^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	**B/B**
b^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	**B/B**
b^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	**B/B**
Locus D - Dilution			**Non Porteur Dilution (D/D)**
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	**D/D**
d^2	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	**D/D**
d^3	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	**D/D**
Locus E - Extension			**Masque Sombre (E^m/E^m)**
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	**E/E**
e^2	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	**E/E**
e^3	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	**E/E**
E^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	**E^m/E^m**
Locus K - Noir Dominant (K^B)	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	**Non exprimé (k^y/k^y)**
Locus S - Panachure Blanche (Panda)	KIT c.140_141insA	Autosomique dominant	**Non porteur panaché**
Longueur du Pelage			**Porteur poil long**
L1	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	**PC/pl**
Poil Bouclé ou Ondulé (c^1)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	**Non porteur (C/C)**
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	**Non porteur de polydactylie**
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	**Chute de poils abondante**

Laboratoire ANTAGENE - Le spécialiste des analyses génétiques chez les animaux
6 allée du Levant • CS 60001 • 69890 La Tour de Salvagny • FRANCE
+33 (0)4 37 49 90 03 • contact@antagene.com • www.antagene.com