

Animal : **Utopie du val de la Petite Creuse**

N° d'identification :	250 269 610 607 352	Propriétaire :	Isabelle PERSSON
Race :	Berger Allemand	N° de prélèvement :	E01064134 (prélevé le 11/09/2026)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00154908
Date de naissance :	22/02/2023	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Clarisse ZOUNIA OUNASSY (Vétérinaire - N° d'ordre : 18895)
			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	24/09/2026	Document établi le :	24/09/2026

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Nanisme Hypophysaire					
	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
	LHX3 c.545_547dupACA	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse MDR1 (ABCB1)	MDR1 (ABCB1) c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Achromatopsie	CNGA3 c.1270C>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Bêta-Mannosidose	MANBA c.560T>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Cystadénocarcinome Rénal et Dermatofibrose Nodulaire	FLCN c.764A>G	Autosomique dominant	Homozygote normal	✓	✓
Déficit d'Adhérence Leucocytaire (LAD3)	FERMT3 c.1349_1350insAAGACGG CTGCC	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Hémophilie A					
	F8 c.98G>A	Récessif lié à l'X	Homozygote normal	✓	✓
	F8 c.1643G>A	Récessif lié à l'X	Homozygote normal	✓	✓
Hyperuricosurie (HUU)	SLC2A9 c.616G>T	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Mucopolysaccharidose de type VII	GUSB c.599G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Syndrome de Scott	TMEM16F g.8912219G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS	EXPRESSION	TRANSMISSION
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.	✓ L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.	! L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.		

Animal : **Utopie du val de la Petite Creuse**

N° d'identification :	250 269 610 607 352	Propriétaire :	Isabelle PERSSON
Race :	Berger Allemand	N° de prélèvement :	E01064134 (prélevé le 11/09/2026)
Sexe :	Femelle	Code résultat :	A00154908
Date de naissance :	22/02/2023	Type prélèvement :	Frottis buccal
Pedigree :		Préleveur :	Clarisse ZOUNIA OUNASSY (Vétérinaire - N° d'ordre : 18895)
			Prélèvement authentifié
Résultat établi le :	24/09/2026	Document établi le :	24/09/2026

Les résultats des caractères morphologiques ne permettent pas de déterminer précisément l'apparence de l'animal, mais vous informent sur leur transmission à la descendance.

CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Locus A - Agouti			
a	ASIP c.286C>T	Autosomique récessif	Noir et feu (a^t/a^t) a^w/a^w
a ^t	ASIP SINE insertion	Autosomique récessif	a^t/a^t
A ^y	ASIP c.244G>T/248G>A	Autosomique dominant	a^w/a^w
Locus B - Marron			
b ^a	TYRP1 c.555T>G	Autosomique récessif	Non Porteur Marron (B/B) B/B
b ^c	TYRP1 c.121T>A	Autosomique récessif	B/B
b ^d	TYRP1 c.1033_1035del	Autosomique récessif	B/B
b ^e	TYRP1 c.1025T>G	Autosomique récessif	B/B
b ^s	TYRP1 c.991C>T	Autosomique récessif	B/B
Locus D - Dilution			
d	MLPH c.-22G>A	Autosomique récessif	Non Porteur Dilution (D/D) D/D
d ²	MLPH c.705G>C	Autosomique récessif	D/D
d ³	MLPH c.667_668insC	Autosomique récessif	D/D
Locus E - Extension			
e	MC1R c.916C>T	Autosomique récessif	Masque Sombre (E^m/E^m) E/E
e ²	MC1R g.63695679C>G	Autosomique récessif	E/E
e ³	MC1R c.816_817delCT	Autosomique récessif	E/E
E ^m	MC1R c.790A>G	Autosomique dominant	E^m/E^m
Locus K - Noir Dominant (K^B)			
	CBD103 c.231_233del	Autosomique dominant	Non exprimé (k^y/k^y)
Locus S - Panachure Blanche (Panda)			
	KIT c.140_141insA	Autosomique dominant	Non porteur panaché
Longueur du Pelage			
L1	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	Porteur poil long PC/pl
Poil Bouclé ou Ondulé (c¹)			
	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Non porteur (C/C)
Polydactylie			
	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur de polydactylie
Shedding			
	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Chute de poils abondante